

Enzyme Used: EcoRI

Control: Chinese chestnut Tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTTGGATCCGGCCCTGAATTCAACCTTAGGATCCGAATTCCTCCGGTGGATCCCCGAATTCGGCTGGATCCAGAATTCCTCCAGC
3' ATGCTTAAGGGAACCTAGGCCGGGACTTAAGTTGGAATCCTAGGCTTAAGGGGCCACCTAGGGGGCTTAAGCCGACCTAGGTCTTAAGGGCAGGTCCG

Tree 1: 7/8 American: Chinese hybrid tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTGCTTTGGATCCGGAATTCATGGATCCAGAGGAATTCCTTGGATCCGGATCCGAATTCAGGGGGATCCCGAATTCAGCAATCCT
3' ATGCTTAAGTGACGGAAACCTAGGCCTAAGTACCTAGGGTCTCCTTAAGGAACCTAGGCCTAGGCTTAAGTCCCCCTAGGGCTTAAGTCGTTAGGA

Tree 2: 15/16 American: Chinese hybrid tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTAAGGATCCAAACCCGAATTCACCGCAGGATCCGAATTCCTAAGGGGATCCCGGGAATTCATTTGGATCCAGAATTCCTTAGGC
3' ATGCTTAAGGGTTCTAGGTTTGGCTTAAGTTGGCGTCTAGGCTTAAGGATCCCCTAGGGCCCTTAAGTAAACCTAGGTCTTAAGGGGAATCCG

Tree 3: 100% American chestnut Tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTGGGGATCCCTCTGAATTCGAAGAATTCGGATCCGAATTCGAATTCGGATCCCAAAGCCGAATTCGGATCCCGAATTCATCAATTCC
3' ATGCTTAAGGGCCCTAGGGAGACTTAAGTTCTTAAGCCTAGGCTTAAGCTTAAGCCTAGGGTTTCGGCTTAAGCCTAGGGCTTAAGTAGTTAAGG

Restriction enzyme recognition site sequence:

EcoRI : G|A A T T C
 C T T A | G

Enzyme Used: BamHI

Control: Chinese chestnut Tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTTGGATCCGGCCCTGAATTCAACCTTAGGATCCGAATTCCTCCGGTGGATCCCCGAATTCGGCTGGATCCAGAATTCCTGTCAGC
3' ATGCTTAAGGGAACCTAGGCCGGGACTTAAGTTGGAATCCTAGGCTTAAGGGGCCACCTAGGGGGCTTAAGCCGACCTAGGTCTTAAGGGCAGGTCCG

Tree 1: 7/8 American: Chinese hybrid tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTGCTTTGGATCCGGGAATTCATGGATCCAGAGGAATTCCTTGGATCCGGATCCGAATTCAGGGGGATCCCGAATTCAGCAATCCT
3' ATGCTTAAGTGACGGAAACCTAGGCCTTAAGTACCTAGGGTCTCCTTAAGGAACCTAGGCCTAGGCTTAAGTCCCCCTAGGGCTTAAGTCGTTAGGA

Tree 2: 15/16 American: Chinese hybrid tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTAAGGATCCAAACCCGAATTCACCGCAGGATCCGAATTCCTAAGGGGATCCCGGAATTCATTTGGATCCAGAATTCCTTAGGC
3' ATGCTTAAGGGTTCCTAGGTTTGGGCTTAAGTTGGCGTCCTAGGCTTAAGGATCCCCTAGGGCCCTTAAGTAAACCTAGGTCTTAAGGGGAATCCG

Tree 3: 100% American chestnut Tree — DNA Sequence

5' TACGAATTCCTGGGGATCCCTCTGAATTCGAAGTTCGGATCCGAATTCGAATTCGGATCCCAAAGCCGAATTCGGATCCCGAATTCATCAATTCC
3' ATGCTTAAGGGCCCCTAGGGAGACTTAAGTTCTTAAGCCTAGGCTTAAGCTTAAGCCTAGGGTTTTCGGCTTAAGCCTAGGGCTTAAGTAGTTAAGG

Restriction enzyme recognition site sequence:

BamHI : G|GATCC
 CCTAG|G